



橋接統計遺傳學與實驗生物學之後GWAS時代的 資料科學研習會

Workshop on Post-GWAS Data Science: Bridging the Gap between
Statistical Genetics and Experimental Biology

時間：115年7月16日星期四

地點：花蓮慈濟大學

Time	Topic	Speaker	Place
09:00-09:10	開幕致詞 Opening Remarks	國家衛生研究院 劉柯俊執行長	B104 階梯教室
09:10-10:00	探索GWAS發現之疾病易感性位點的生物學線索 Looking for biological clues underlying susceptibility loci identified by genome-wide association studies	國家衛生研究院 張憶壽 名譽研究員	
10:00-10:10	休息 Break		
10:10-11:00	癌症轉錄體全基因組關聯分析 (TWAS)：利用 公開資料與分析工具的實務示範 Transcriptome- Wide Association Studies of Cancer: Illustrations using datasets and computer packages in the public domain	國立東華大學 簡立欣 助理教授	
11:00-11:10	休息 Break		
11:10-12:00	癌症遺傳研究中FDR、Fine-mapping 與 Colocalization 的原理與應用 False discovery rates, fine-mapping, and colocalization for cancer studies	東海大學 陳孜玗 助理教授	
12:00-13:30	午餐 Lunch		C304 電腦教室
13:30-14:20	實作課一 TWAS hands-on practice: PrediXcan, FUSION	簡立欣助理教授 助教 鄭文愷、江陳淦	
14:20-14:30	休息 Break		
14:30-15:20	實作課二 Hands-on practice: fine mapping, colocalization, and FDR	陳孜玗 助理教授 助教 鄭文愷、江陳淦	
15:20-15:30	問題討論 Questions and Answers		

主辦單位：國家衛生研究院「推動癌症轉譯研究跨機構合作平台
及臨床研究資訊共享（計畫編號：MOHW115-TDU-B-222-114017）」

指導單位：衛生福利部科技發展組 經費來源：菸品健康福利捐支應



活動網址



報名網址